



Inicio	Reglamento	Reglamento para premio	Programa	Reporte de resúmenes
Distribución de Pósters	Mi cuenta	Cerrar sesión		

Administración

Panel de Control

[Asignar coordinadores](#)

[En revisión](#)

[Enviados a corregir](#)

[Aprobados por coordinador](#)

[Aprobados por revisor](#)

[En traducción](#)

[Listo para publicar](#) 117

[Rechazados](#) 7

[Resúmenes Corrección](#)

[Inicio](#) » Estudio preliminar de la variabilidad genética de las fimbrias a (fimA) de porphyromona gingivalis

[Vista](#)

[Diferencias](#)

[Editar](#)

[Revisiones](#)

Resumen #1618

Estudio preliminar de la variabilidad genética de las fimbrias a (fimA) de porphyromona gingivalis

¹Tabares SM, ²Usin MM, ¹Lucca Martin A, ¹Sembaj A

¹Cátedra de Bioquímica y Biología Molecular, FCM; ²Cátedra de Periodoncia B. Facultad de Odontología

Persona que presenta: Tabares SM, stabares@unc.edu.ar

Área: Básica

Disciplina: Odontología

Resumen:

Porphyromonas gingivalis (*P. gingivalis*), es una de las principales bacterias desencadenante de la enfermedad periodontal (EP). Su agresividad se pone de manifiesto mediante factores de virulencia codificados en su genoma. Las fimbrias le proporcionan a la bacteria la capacidad de adherirse al tejido de soporte, a la película adquirida y coagregarse con otras especies bacterianas. Dentro de los tipos de fimbrias, encontramos a la fimbria A (fimA) que posee 6 genotipos (I, Ib, II, III, IV, V). Los genotipos fimA II y fimA IV se identifican en sujetos con periodontitis, mientras que la fimA I es característica de los sujetos sanos. Conocer la prevalencia de las cepas de *P. gingivalis* en nuestra población aportaría información para prever la evolución del tratamiento de la EP. Nos propusimos determinar la prevalencia de los genotipos de fimA y asociarlos con el grado de severidad de la EP.

En un estudio descriptivo, transversal reclutamos 81 individuos adultos de ambos sexos, sistémicamente sanos, diagnosticados con EP, presencia de 18 dientes en boca como mínimo, con consentimiento de participar en el proyecto. Se excluyeron aquellos que recibieron tratamiento periodontal y medicación antibiótica en los últimos 6 meses y/o consumo de drogas. Se extrajo muestra de 307 sitios enfermos para genotificar por biología molecular los tipos más frecuentes de fimA.

Un 18% de los sitios presentó fimA II correspondiéndose con una profundidad de sondaje (PS) de 4 mm y un nivel de inserción clínica (NIC) de 3mm. La fimA IV se detectó en un 15%, cuyos sitios midieron 5mm PS y 4 mm NIC. El 68% restante correspondería al resto de los genotipos que se están analizando.

Por el momento, observamos que fimA IV se asocia a valores de PS y NIC que corresponde a una periodontitis estadio I y II grado A y B mientras que la fimA II se detectó en sitios con EP de menor gravedad.

Palabras Clave: Porphyromonas gingivalis, fimbria, enfermedad periodontal

 [Versión para impresión](#) |  [PDF version](#)

Abstract #1618

Preliminary study of the genetic variability of fimbriae A (fimA) of Porphyromonas

¹Tabares SM, ²Usin MM, ¹Lucca Martin A, ¹Sembaj A

¹Cátedra de Bioquímica y Biología Molecular, FCM; ²Cátedra de Periodoncia B. Facultad de Odontología

Persona que presenta: Tabares SM, stabares@unc.edu.ar

Abstract:

Porphyromonas gingivalis (*P. gingivalis*) is one of the major causative agents of periodontal disease (PD). Its aggressiveness is evidenced by virulence factors encoded in its genome. Fimbriae provide the bacterium with the ability to adhere to the supporting tissue, to the acquired film, and to coaggregate with other bacterial species. Among the types of fimbriae, we find the fimbriae A (fimA), which has 6 different genotypes (I, Ib, II, III, IV, V). FimA II and FimA IV genotypes are identified in subjects with periodontitis, while FimA I is characteristic of healthy subjects. Knowing the prevalence of *P. gingivalis* strains in our population would provide information to anticipate the evolution of periodontal treatment. For the moment, we observed that fimA IV was associated with probing depth (PD) and clinical attachment level (CAL) corresponding to periodontitis A and B Grade, stages I and II, whereas fimA II was detected in less severe PD pockets.

In a descriptive, cross-sectional study, we recruited 81 systemically healthy adults of both sexes with a diagnosed PD, with the presence of at least 18 teeth in the mouth, who provided signed consent to participate in the project. Those who had received periodontal treatment and antibiotic medication in the previous 6 months and/or drug use were excluded. We examined 307 diseased sites and took a sample from each to genotype the most frequent types of FimA by molecular biology.

Eighteen percent of the sites detected FimA II, corresponding to a PS of 4mm and a NIC of 3mm. FimA IV was detected in 15% of the sites with PS of 5mm and 4mm NIC. The remaining 68% would correspond to the rest of the genotypes to be investigated.

At the moment, we observed that fimA IV was associated with PS and NIC values corresponding to stage I and II grade A and B periodontitis while fimA II was detected in sites with PD of lesser severity.

Keywords: Porphyromonas gingivalis, periodontal disease, fimbriae

